

Fecha del CVA	22/02/2022
---------------	------------

Parte A. DATOS PERSONALES

Nombre	Xenia		
Apellidos	Peñate Salas		
Sexo	Mujer	Fecha de Nacimiento	06/11/1975
DNI/NIE/Pasaporte	44216175D		
URL Web			
Dirección Email	xenia@us.es		
Open Researcher and Contributor ID (ORCID)	0000-0002-4117-888X		

A.1. Situación profesional actual

Puesto	Investigadora Senior		
Fecha inicio	2021		
Organismo / Institución	FISEVI		
Departamento / Centro			
País		Teléfono	
Palabras clave			

A.2. Situación profesional anterior (incluye interrupciones en la carrera investigadora - indicar meses totales, según texto convocatoria-)

Periodo	Puesto / Institución / País
2020 - 2021	Titulado superior / Universidad de Sevilla / España
2017 - 2020	Titulado superior / Universidad de Sevilla
2017 - 2017	Titulado superior / Universidad de Sevilla
2016 - 2016	Titulado superior / Universidad de Sevilla
2015 - 2016	Titulado superior / Universidad de Sevilla

A.3. Formación académica

Grado/Master/Tesis	Universidad / País	Año
Programa de Biología Molecular y Celular I (RD 778/1998)	CONSEJO SUPERIOR DE INVESTIGACIONES CIENTIFICAS. BIOLOGÍA MOLECULAR	2007
Licenciado en Biología	Universidad de Sevilla	2000

Parte B. RESUMEN DEL CV

Estudié Biología en la Universidad de Sevilla. Trabajé durante dos años en el laboratorio de Tahía Benítez, en el Dpto. de Genética de la misma universidad, con microorganismos de interés industrial, y publiqué dos artículos. Conseguí una beca FPI e hice la tesis en el laboratorio de Miguel Navarro, en el IPBLN de Granada, sobre la RNA polimerasa I de Trypanosoma brucei, publicando en EMBO report. Hice un primer postdoc en el laboratorio de Francis Barr en la Universidad de Liverpool, estudiando la citoquinesis en células humanas. Los resultados se publicaron en Journal of Cell Biology. Desde 2011 a 2020 pertencí al grupo de Sebastián Chávez en el IBiS. Investigué allí sobre la prefoldina, y mis resultados se han publicado en cinco artículos, de los cuales en uno soy "co-corresponding author", y de otro primera autora. Como docente, he dirigido una tesis doctoral, tres TFGs y tres TFM, y he dado clases en la asignatura de Expresión Génica en el Máster de Genética Molecular y Biotecnología, todo ello en la Universidad de Sevilla.

Parte C. LISTADO DE APORTACIONES MÁS RELEVANTES

C.1. Publicaciones más importantes en libros y revistas con “peer review” y conferencias

AC: Autor de correspondencia; (nº x / nº y): posición firma solicitante / total autores. Si aplica, indique el número de citaciones

- 1 **Capítulo de libro.** Peñate-Salas, Xenia; Chavez-De Diego, Sebastian. (1/2). 2014. RNA polymerase II-dependent transcription in fungi and its interplay with mRNA decay Fungal RNA Biology. Springer. pp.1-22. ISBN 9783319056869.
- 2 **Artículo científico.** Payán-Bravo, L.; Fontalva, S.; Penate, X.; et al; Chavez, S.2021. Human prefoldin modulates co-transcriptional pre-mRNA splicing Nucleic Acids Research. Oxford Academic. 49-11, pp.6267-6280.
- 3 **Artículo científico.** Begley, V.; Jordan-Pla, A.; Peñate, X.; et al; Chávez, S.(3/15). 2020. Xrn1 influence on gene transcription results from the combination of general effects on elongating RNA pol II and gene-specific chromatin configuration RNA biology. ISSN 1555-8584.
- 4 **Artículo científico.** Peñate, X.; Praena Fernández, J.M.; Romero-Pareja, P.; et al; López-Guerra, J.L.(1/12). 2020. Overexpression of Canonical Prefoldin Associates with the Risk of Mortality and Metastasis in Non-small Cell Lung Cancer Cancers. MDPI. 12-4, pp.1-9. ISSN 2072-6694. WOS (1)
- 5 **Artículo científico.** Maya-Miles, D.; Peñate, X.; Sanmartín-Olmo, T.; et al; Geli, V.(2/9). 2018. High levels of histones promote wholegenome- duplications and trigger a Swe1WEE1-dependent phosphorylation of Cdc28CDK1 eLIFE. eLIFE Sciences Publications. 7, pp.1-25. ISSN 2050-084X. WOS (1)
- 6 **Artículo científico.** Gutierrez, G.; Millan-Zambrano, G.; Medina, D.A.; Jordan-Pla, A.; Perez-Ortin, J.E.; Peñate, X. (AC); Chávez, S.(6/7). 2017. Subtracting the sequence bias from partially digested MNase-seq data reveals a general contribution of TFIIS to nucleosome positioning Epigenetics and Chromatin. BioMed Central. 10, pp.1-22. ISSN 1756-8935. WOS (5)
- 7 **Artículo científico.** GONZÁLEZ-BARRIOS, MARÍA; Fierro, Juan Carlos; Krpelanova, Eva; et al; Peñate-Salas, Xenia; Miranda-Vizuete, Antonio. (6/10). 2015. Cis- and Trans-Regulatory Mechanisms of Gene Expression in the ASJ Sensory Neuron of Caenorhabditis elegans Genetics. 200, pp.123-134. ISSN 1943-2631. WOS (8)
- 8 **Artículo científico.** Gaytán, Bd; Loguinov, A; Peñate-Salas, Xenia; Lerot, Jm; Chavez-De Diego, Sebastian; Denslow, N; Vulpe, C. (3/7). 2013. A Genome-Wide Screen Identifies Yeast Genes Required for Tolerance to Technical Toxaphene, an Organochlorinated Pesticide Mixture PloS One. 8-11, pp.e81253-1-e81253-12. ISSN 1932-6203. WOS (5)
- 9 **Artículo científico.** Millán-Zambrano, Gonzalo; Rodríguez-Gil, Alfonso; Peñate-Salas, Xenia; De Miguel-Jiménez, María Dolores; Morillo-Huesca, Macarena; Krogan, Nevan; Chavez-De Diego, Sebastian. (3/7). 2013. The Prefoldin Complex Regulates Chromatin Dynamics during Transcription Elongation PLoS Genetics. 9-9, pp.e1003776-1-e1003776-18. ISSN 1553-7404. WOS (22)
- 10 **Artículo científico.** Nunes-Bastos, Ricardo; Peñate-Salas, Xenia; Bates, Michelle; Hammond, Dean; Barr, Francis A.(1/5). 2012. CYK4 inhibits Rac1-dependent PAK1 and ARHGEF7 effector pathways during cytokinesis.The Journal of Cell Biology. 198-5, pp.865-880. ISSN 0021-9525. WOS (61)
- 11 **Artículo científico.** Gómez-Herreros, Fernando; De Miguel-Jiménez, María Dolores; Millán-Zambrano, Gonzalo; Peñate-Salas, Xenia; DELGADO-RAMOS, LIDIA; Chavez-De Diego, Sebastian; Muñoz-Centeno, Maria De La Cruz. (4/7). 2012. One step back before moving forward: Regulation of transcription elongation by arrest and backtracking Febs Letters. 586, pp.2820-2825. ISSN 0014-5793. WOS (17)
- 12 **Artículo científico.** Peñate-Salas, Xenia; Lopez-Farfan, Diana Carolina; Landeira-Frias, David; Vidal-Cobo, Isabel Beatriz; Navarro-Carretero, Miguel Angel. (1/5). 2009. RNA POLYMERASE II SUBUNIT RPB7 IS REQUIRED FOR RNA POLYMERASE I MEDIATED TRANSCRIPTION IN TRYPANOSOMA BRUCEI Embo Reports. 10-2, pp.252-256. ISSN 14693178. WOS (12)

- 13 Artículo científico.** Navarro-Carretero, Miguel Angel; Peñate-Salas, Xenia; Landeira-Frias, David. (2/3). 2007. NUCLEAR ARCHITECTURE UNDERLYING GENE EXPRESSION IN TRYPANOSOMA BRUCEI Trends in Microbiology. 15-6, pp.263-270. ISSN 0966842X. WOS (39)
- 14 Artículo científico.** Roldán-Gómez, Ana M^a; Palacios-Macias, Víctor Manuel; Peñate-Salas, Xenia; Benitez-Fernandez, Concepcion Tahia; Pérez-Rodríguez, Luis; Pérez-,L. 2006. USE OF TRICHODERMA ENZYMATIC EXTRACTS ON VINIFICATION OF PALOMINO FINO GRAPES IN THE SHERRY REGION Journal of Food Engineering. 75-3, pp.375-382.
- 15 Artículo científico.** Carballo-Codon, Antonio; Rincon-Romero, Ana Maria; Moreno-Mateos, Miguel Angel; et al; Benitez-Fernandez, Concepcion Tahia. 2003. NEW SACCHAROMYCES CEREVISIAE BAKER'S YEAST DISPLAYING ENHANCED RESISTANCE TO FREEZING Journal of Agricultural and Food Chemistry. 51-2, pp.483-491.
- 16 Artículo científico.** Begley, V.; Jordan-Pla, A.; Penate, X.; et al; Chavez, S.Xrn1 influence on gene transcription results from the combination of general effects on elongating RNA pol II and gene-specific chromatin configuration RNA Biology. Taylor and Francis.
- 17 Capítulo de libro.** Payán, L.; Peñate, X.; Chávez, S.(2/3). 2018. Functional Contributions of Prefoldin to Gene Expression Prefoldins: the new chaperones. Springer. pp.1-10. ISSN 0065-2598, ISBN 978-3-030-00737-9.

C.2. Congresos

- 1 XENIA PEÑATE SALAS.** Prefoldin binds DNA and influences cotranscriptional splicing. Workshop Advances in the R2TP/URI-Prefoldin complex in cancer (NO PERIÓDICO). Centro Nacional de Investigaciones Oncológicas. 2019. España. Participativo - Ponencia invitada/ Keynote. Jornada.
- 2 Laura Payán Bravo; Silvia Jimeno González; Xenia Peñate Salas; Ildfonso Cases; Carlos Suñé Negre; José Carlos Reyes; Sebastián Chávez de Diego.** Prefoldin contributes to gene expression in human cells. RNAlife (NO PERIÓDICO). 2018. España. Participativo - Póster.
- 3 GABRIEL GUTIERREZ POZO; GONZALO MILLÁN ZAMBRANO; XENIA PEÑATE SALAS; SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO.** Contribution of TFIS to nucleosome positioning revealed by improved MNase-seq. XXXIX Congreso de la Sociedad Española de Bioquímica y Biología Molecular. 2016. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 4 Laura Payán Bravo; SILVIA JIMENO GONZÁLEZ; XENIA PEÑATE SALAS; Pareja, Yerma; JOSE CARLOS REYES ROSA; SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO.** Exploring the contribution of cochaperone human prefoldin to gene expression. Chaperones in the maintenance of celular proteostasis (NO PERIÓDICO). 2016. Participativo - Póster. Congreso.
- 5 Laura Payán Bravo; SILVIA JIMENO GONZÁLEZ; XENIA PEÑATE SALAS; JOSE CARLOS REYES ROSA; SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO.** Exploring the contribution of human prefoldin to gene expression.. XXXIX Congreso de la Sociedad Española de Bioquímica y Biología Molecular. 2016. Participativo - Póster. Congreso.
- 6 XENIA PEÑATE SALAS; GONZALO MILLÁN ZAMBRANO; Jordán-pla, Antonio; María Pilar Puerto Camacho; Rodríguez-ortíz, Beatriz; SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO.** Nuclear Prefoldin interacts with the INO80 chromatin-remodelling complex. Chaperones in the Maintenance of Cellular Proteostasis (NO PERIÓDICO). 2016. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 7 XENIA PEÑATE SALAS; SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO.** Nuclear prefoldin interacts with the Ino80 chromatin-remodelling complex. Chaperones in the maintenance of celular proteostasis. 2016. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.
- 8 Jordán-pla, Antonio; MARÍA DOLORES DE MIGUEL JIMÉNEZ; Gupta, Ishaan; GONZALO MILLÁN ZAMBRANO; XENIA PEÑATE SALAS; Steinmetz, Lars; Pelechano, Vicent; Pérez-ortín, Jose E; SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO.** RNA polymerase II backtracking is globally regulated throughout the transcription cycle and contributes to RNA polymerase II processivity. Systems biology: global regulation of gene expression. 2015. Participativo - Ponencia oral (comunicación oral). Congreso.

C.3. Proyectos o líneas de investigación

- 1 Proyecto.** US-1256285, Contribución de la Prefoldina a la Expresión Génica en Células Humanas y Sus Implicaciones en Cáncer de Pulmón (COMPETITIVO). Junta de Andalucía. 01/02/2020-31/01/2022. El proyecto consta de cuatro sub-objetivos, y yo participo en los cuatro.
- 2 Proyecto.** BFU2016-77728-C3-1-P, Homeostasia y Recambio Molecular en el Dogma Central (COMPETITIVO). Ministerio de Economía y Competitividad. SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO. (Universidad de Sevilla). 30/12/2016-29/12/2020. 302.500 €. De los cuatro sub-objetivos de que consta el proyecto, yo participé en dos, con las siguientes tareas: Recambio de mRNAs y proliferación celular en cultivos de células HeLa; Interacción entre la pref...
- 3 Proyecto.** P12-BIO-1938, Latencia de la Infección por VIH-1: Mecanismos Moleculares y Estrategias de Terapia Génica Mediante Nanopartículas Dirigidas (COMPETITIVO). CONSEJERÍA DE ECONOMÍA, INNOVACIÓN Y CIENCIA. SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO. 30/01/2014-31/07/2019. 273.894 €. En este proyecto participé en la tarea de determinación de la especificidad de las nanopartículas vehiculizadas en ensayos in vitro.
- 4 Proyecto.** BFU2013-48643-C3-1-P, Regulación Cruzada Entre la Transcripción y la Estabilidad de los mRNAs: Influencia de la Cromatina y del Backtracking de la RNA Pol II (COMPETITIVO). Ministerio de Economía y Competitividad. SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO. 01/01/2014-30/06/2017. 278.300 €. El proyecto constaba de tres objetivos. Yo participé como investigadora en los tres.
- 5 Proyecto.** BFU2013-48643-C3-1-P, Regulación global de la expresión génica: mecanismos moleculares de la elongación de la transcripción en eucariontes (COMPETITIVO). Ministerio de Ciencia e Innovación. SEBASTIAN CHAVEZ DE DIEGO. (Universidad de Sevilla). 01/01/2010-01/01/2014. 220.000 €. En este proyecto participé en tareas de investigación, haciendo yo misma experimentos que llevaron a la publicación de The Prefoldin Complex Regulates Chromatin Dynamics during Transcription Elongati...
- 6 Proyecto.** SAF2006-01763, CARACTERIZACIÓN FUNCIONAL DE TOR COMO DIANA TERAPÉUTICA POTENCIAL EN TRYPANOSOMA BRUCEI (COMPETITIVO). MIGUEL ANGEL NAVARRO CARRETERO. 01/10/2006-10/2009. 130.000 €.
- 7 Proyecto.** P05-CVI-00908, COMPARTIMENTACIÓN SUBCELULAR Y ENFERMEDAD. NUEVAS ESTRATEGIAS DIAGNÓSTICAS Y TERAPÉUTICAS. JAIME SANCHO LOPEZ. Desde 01/03/2006. 155.000 €.
- 8 Proyecto.** SAF2002-00082, ANÁLISIS MOLECULAR Y GENÉTICO DE LA VARIACIÓN ANTIGÉNICA DE TRYPANOSOMA BRUCEI. MIGUEL ANGEL NAVARRO CARRETERO. Desde 05/12/2002. 120.000 €.