

BIOINFORMÁTICA

SERVICIOS			PRECIO(€) / (CÓDIGO) 21% de I.V.A. no incluido			
Área	Código	Técnica	A	B	C	D
Genómica*	BIO01	Análisis de exoma/genoma completo: búsqueda y anotación de variantes	312	390	468	624
			(BIO01A)	(BIO01B)	(BIO01C)	(BIO01D)
	BIO02	Ensamblaje guiado/de novo de genoma	208	260	312	416
			(BIO02A)	(BIO02B)	(BIO02C)	(BIO02D)
	BIO03	Anotación funcional de genoma: predicción ab initio y anotación de genes y secuencias reguladoras	104	130	156	208
			(BIO03A)	(BIO03B)	(BIO03C)	(BIO03D)
	BIO04	Análisis pangenómico: presencia/ausencia de genes, determinación del pangenoma, genoma core y accesorio y generación de árboles filogenéticos	286	357,5	429	572
			(BIO04A)	(BIO04B)	(BIO04C)	(BIO04D)
	BIO05	Determinación de especie/cepa en procariontes por MLST o del serotipo	104	130	156	208
			(BIO05A)	(BIO05B)	(BIO05C)	(BIO05D)
	BIO06	Identificación de genes de resistencia y de virulencia en genomas procariontes	130	162,5	195	260
			(BIO06A)	(BIO06B)	(BIO06C)	(BIO06D)
Metagenómica	BIO07	Análisis taxonómico de 16S: diversidad alfa y beta, abundancia diferencial entre	156	195	234	312
			(BIO07A)	(BIO07B)	(BIO07C)	(BIO07D)

		grupos					
Transcriptómica*	BIO08	Análisis de arrays de expresión: expresión diferencial y enriquecimiento de rutas	156	195	234	312	
			(BIO08A)	(BIO08B)	(BIO08C)	(BIO08D)	
	BIO09	Análisis de RNA-Seq: expresión diferencial y enriquecimiento de rutas	312	390	468	624	
			(BIO09A)	(BIO09B)	(BIO09C)	(BIO09D)	
	BIO10	Ensamblaje guiado/de novo de transcriptoma	208	260	312	416	
			(BIO10A)	(BIO10B)	(BIO10C)	(BIO10D)	
	BIO11	Anotación funcional de transcriptoma: predicción ab initio y anotación de genes y secuencias reguladoras	104	130	156	208	
			(BIO11A)	(BIO11B)	(BIO11C)	(BIO11D)	
	BIO12	Búsqueda y anotación de variantes en RNA-Seq	104	130	156	208	
			(BIO12A)	(BIO12B)	(BIO12C)	(BIO12D)	
	Epigenómica*	BIO13	Análisis de ChIP-Seq (factores de transcripción, modificación de histonas): identificación y anotación de picos, unión diferencial	312	390	468	624
				(BIO13A)	(BIO13B)	(BIO13C)	(BIO13D)
Computación	BIO14	Computación CPU en el clúster (por CPU·hora)	0,015	0,01875	0,0225	0,03	
			(BIO14A)	(BIO14B)	(BIO14C)	(BIO14D)	
	BIO15	Computación GPU en el clúster (por GPU·hora)	0,15	0,1875	0,225	0,3	
			(BIO15A)	(BIO15B)	(BIO15C)	(BIO15D)	
	BIO16	Almacenamiento extra (por TB)	5	6,25	7,5	10	
			(BIO16A)	(BIO16B)	(BIO16C)	(BIO16D)	
Otros	BIO17	Análisis de supervivencia: regresión de Cox, curvas Kaplan-Meier y creación de	156	195	234	312	
			(BIO17A)	(BIO17B)	(BIO17C)	(BIO17D)	

		firmas				
	BIO18	Envío/descarga de datos a GEO, ArrayExpress, SRA, y otros repositorios de datos públicos	156	195	234	312
			(BIO18A)	(BIO18B)	(BIO18C)	(BIO18D)
	BIO19	Análisis personalizado de datos (por hora de trabajo)	26	32,5	39	52
			(BIO19A)	(BIO19B)	(BIO19C)	(BIO19D)

* Tarifas de referencia para análisis de hasta 20 muestras. Para análisis con mayor cantidad de muestras, consultar a bioinformatica-ibis@us.es

Sevilla, diciembre de 2022